1 MPFDVLISNQKDNTNHQNITPISKSVLLAPHSNHPVIEIATYSETDVYEC 50
51 YIRGFETKIVMRRTKDDWINITQVFKIAQFSKTKRTKILEKESNDMQHEK 100
101 VQGGYGRFQGTWIPLDSAKFLVNKYEIIDPVVNSILTFQFDPNNPPPKRS 150
151 KNSILRKTSPGTKITSPSSYNKTPRKKNSSSSTSATTTAANKKGKKNASI 200
201 NQPNPSPLQNLVFQTPQQFQVNSSMNIMNNNDNHTTMNFNNDTRHNLINN 250
251 ISNNSNQSTIIQQQKSIHENSFNNNYSATQKPLQFFPIPTNLQNKNVALN 300
301 NPNNNDSNSYSHNIDNVINSSNNNNGNNNNNLIIVPDGPMQSQQQQQHHH 350
351 EYLTNNFNHSMMDSITNGNSKKRRKKLNQSNEQQFYNQQEKIQRHFKLMK 400
401 QPLLWQSFQNPNDHHNEYCDSNGSNNNNNTVASNGSSIEVFSSNENDNSM 450
451 NMSSRSMTPFSAGNTSSQNKLENKMTDQEYKQTILTILSSERSSDVDQAL 500
501 LATLYPAPKNFNINFEIDDQGHTPLHWATAMANIPLIKMLITLNANALQC 550
551 NKLGFNCITKSIFYNNCYKENAFDEIISILKICLITPDVNGRLPFHYLIE 600
601 LSVNKSKNPMIIKSYMDSIILSLGQQDYNLLKICLNYQDNIGNTPLHLSA 650
651 LNLNFEVYNRLVYLGASTDILNLDNESPASIMNKFNTPAGGSNSRNNNTK 700
701 ADRKLARNLPQKNYYQQQQQQQQPQNNVKIPKIIKTQHPDKEDSTADVNI 750
751 AKTDSEVNESQYLHSNQPNSTNMNTIMEDLSNINSFVTSSVIKDIKSTPS 800
801 KILENSPILYRRRSQSISDEKEKAKDNENQVEKKKDPLNSVKTAMPSLES 850
851 PSSLLPIQMSPLGKYSKPLSQQINKLNTKVSSLQRIMGEEIKNLDNEVVE 900
901 TESSISNNKKRLITIAHQIEDAFDSVSNKTPINSISDLQSRIKETSSKLN 950
951 SEKQNFIQSLEKSQALKLATIVQDEESKVDMNTNSSSHPEKQEDEEPIPK 1000
1001 STSETSSPKNTKADAKFSNTVQESYDVNETLRLATELTILQFKRRMTTLK 1050